

# Test t

Bartosz Kozak

7 kwietnia 2019

## Wprowadzenie

Test t opiera się na założeniu, że nasze dane pochodzą z rozkładu normalnego. W przypadku jednej próbkki mamy dane  $x_1, \dots, x_n$ , które powinny spełniać założenia:

- niezależność
- losowe
- pochodzą z dystrybucji  $N(\mu, \sigma^2)$

Testujemy hipotezę zerową ( $H_0 : \mu = \mu_0$ ), że nasza średnia w populacji równa jest wartości  $\mu_0$ . Szacujemy wartość średnią w populacji ( $\mu$ ) i odchylenie standardowe populacji ( $\sigma$ ) na podstawie średniej z próby  $\bar{x}$  oraz odchylenia standardowego z próby ( $s$ ).

Kluczowy koncept w tych rozważaniach to *błąd standardowy średniej*,  $SEM$ . Opisuje on zmienność (wariancję) średniej z  $n$  losowych wartości z populacji o średniej  $\mu$  i wariancji  $\sigma$ .  $SEM$  definiujemy jako:

$$SEM = \sigma / \sqrt{n}$$

i oznacza, że jeżeli wykonamy eksperyment kilkukrotnie licząc za każdym razem średnią z otrzymanych wyników, wtedy otrzymane średnie, będą należeć do dystrybucji, która jest węższa niż oryginalna dystrybucja. Kluczową konkluzją jest to, że możemy obliczyć empiryczne  $SEM$  mając wyniki wyłącznie z jednej serii pomiarów, w takim wypadku, na podstawie empirycznej wartości  $s$ , jako  $SEM = s / \sqrt{n}$ . Wartość ta pozwala nam stwierdzić jak bardzo otrzymana wartość średniej (empiryczna)  $\bar{x}$ , może różnić się od prawdziwej wartości średniej w populacji ( $\mu$ ). Dla rozkładu normalnego istnieje 95% prawdopodobieństwa, że wylosowana wartość będzie w przedziale  $\mu \pm 2\sigma$ , możemy więc założyć, że jeżeli  $\mu_0$  jest prawdziwą średnią w populacji to  $\bar{x}$  powinno znajdować się w przedziale  $2SEM$  od wartości średniej populacji ( $\mu_0$ ). Formalnie możemy to zapisać

$$t = \frac{\bar{x} - \mu_0}{SEM}$$

i sprawdzić czy wartość  $t$  znajduje się w przedziale prawdopodobieństwa równemu określonej przez *poziom istotności* -  $\alpha$ .

W małych próbach, konieczne jest użycie poprawki, ponieważ w obliczeniach używamy empirycznej wartości  $SEM$ , i dystrybucja  $t$  odbiega w częściach “ogonowych” od dystrybucji rozkładu normalnego  $N(0, 1)$ : duże odchylenia zdarzają się częściej niż w rozkładzie normalnym. Z tego powodu dla małych prób korzystamy z rozkładu  $t$  – *studenta* o liczbie stopni swobody  $f = n - 1$ .

Jeżeli obliczona wartość  $t$  znajduje się poza akceptowalnym regionem przy zadanych *poziomie istotności*  $\alpha$  wtedy odrzucamy hipotezę zerową przy tym poziomie istotności. Alternatywnie (jest to równoznaczne) możemy obliczyć wartość *p-value*, która określa prawdopodobieństwo uzyskania wartości większej od wartości  $t$  i odrzucić hipotezę (zerową) jeżeli *p-value* jest mniejsze od przyjętego *poziomu istotności*.

**Przykład 1** Dane przedstawiają dzienne zapotrzebowanie energetyczne (kJ) 11 kobiet (Altman, 1991, p. 183)

```
# dane
daily.intake <- c(5260, 5470, 5640, 6180, 6390, 6515, 6805, 7515, 7515, 8230, 8770)
```

### Ćwiczenie1

Proszę obliczyć odstawowe statystyki dla danych:

- średnia

- odchylenie standardowe
- kwantyle

```
## [1] 6753.636
```

```
## [1] 1142.123
```

```
## 0% 25% 50% 75% 100%
```

```
## 5260 5910 6515 7515 8770
```

## Algorytm postępowania:

1. Formułujemy hipotezę zerową  $H_0$  i hipotezę alternatywną  $H_a$

Należy zwrócić uwagę, że hipoteza zerowa zawsze ma postać:

$$H_0 : \mu = \mu_0$$

W naszym przypadku hipoteza zerowa będzie brzmiała: *Dzienne zapotrzebowanie energetyczne kobiet nie różni się **statystycznie** od zalecanej wartości 7725*

Hipoteza alternatywna ma postać:

$$H_a : \mu \neq \mu_0$$

2. Testujemy hipotezę (wykonujemy test statystyczny)
3. Na podstawie otrzymanych wyników testu **odrzucaamy** lub **nie odrzucaamy** - nie mamy podstaw, hipotezę zerową na zadanym *poziomie istotności*

### Uwaga!

Nawet jeżeli nie mamy podstaw do odrzucenia hipotezy zerowej, **nie oznacza to że jest ona prawdziwa!**

Jeżeli odrzucimy hipotezę zerową na zadanym *poziomie istotności* oznacza to, że z prawdopodobieństwem  $1 - \alpha$  hipoteza zerowa jest błędna. W takim wypadku przyjmujemy hipotezę alternatywną (z prawdopodobieństwem  $1 - \alpha$ ).

```
# test t w R
t.test(daily.intake,mu=7725)
```

```
##
## One Sample t-test
##
## data:  daily.intake
## t = -2.8208, df = 10, p-value = 0.01814
## alternative hypothesis: true mean is not equal to 7725
## 95 percent confidence interval:
##  5986.348 7520.925
## sample estimates:
## mean of x
## 6753.636
```

## Przedział ufności dla średniej

Jest to przedział wartości (min, max) między którymi z prawdopodobieństwem 95% znajduje się prawdziwa średnia populacji. Bazuje ona na równaniu dla statystyki  $t$  i dla poziomu istotności  $\alpha = 0.05$  przyjmuje postać

$$\bar{x} - t_{0.975}(f) \times SEM < \mu < \bar{x} + t_{0.975}(f) \times SEM$$

## Ćwiczenie 2

W pliku react.txt znajdują się różnice w pomiarach [obszar reakcji mm] próby tuberkulinowej na grupie pacjentów wykonane przez dwie pielęgniarki.

- Czy dane pochodzą z rozkładu normalnego?
- Na *poziomie istotności*  $\alpha = 0.05$  odpowiedz na pytanie czy pomiary wykonane przez pielęgniarki różnią się istotnie statystycznie?